

<https://dabar.srce.hr/user/profile/mbz/243230>

Vrijeme izvoza: 28.03.2025. 07:23:50

Repozitorij: dabar.srce.hr

Ukupan broj zapisa na URL-u: 81

Broj izvezenih zapisa: 81

Naslov	URL	Autori	Naslov izvornika
Regulacija i značaj lizofosfolipaze PNPLA7 u staničnom modelu metabolički aktivnoga tkiva		Lulić, Ana-Marija	
Računalna i eksperimentalna analiza interakcije između DNA i transkripcijskog faktora MntR-a iz <i>Mycobacterium tuberculosis</i>		Semenić, Lana	
Sinteza i karakterizacija metalosupramolekulskih spojeva vanadija(V) s hidrazonskim ligandima		Plejić, Emanuela	
Kvantno-kemijsko dokiranje heterocikla u aktivno mjesto butirilkolinesteraze primjenom dubokog pojačanog učenja		Jakobović, Nika	
Modeliranje ploha potencijalne energije benzena i njegovih heterocikličkih analoga primjenom dubokog učenja		Pišonić, Zrinka	
Nova metoda analize simulacija molekulske dinamike toplinskim mapama		Kožić, Matej	
Kalorimetrijsko određivanje utjecaja sinergijskog aniona i sijalinizacije na termodinamiku vezanja željeza na ljudski serumski transferin		Borko, Valentina	
Poly(ethyleneimine)/poly((sodium 4-styrenesulfonate) complexes: characterization and applications as membranes		Jurković, Mia	
Ferocen kao kirooptički senzor za određivanje kiralnosti aminokiselina i pepida		Šutalo, Petar	
Računalno istraživanje kompleksa DNA i MntR proteina iz bakterije <i>Bacillus subtilis</i>		Batković, Michaela	
Toksičnost odabranih herbicida analizirana in silico metodama i biološkim testovima		Pehar, Vesna	
Računalno određivanje utjecaja deuteriranja na vezanje liganada na adenoziński A2A receptor		Hok, Lucija	
Bakterijske i virusne makrodomene - struktura, funkcija i terapijski potencijal		Hloušek-Kasun, Andrea	
Strukturalna i adsorpcijska svojstva azo, azoksi i azodioksidnih poroznih organskih polimera izvedenih iz trisupstituiranog amina i piridina		Frey, Tea	

Simulacije molekulske dinamike proteina MntR iz bakterije Halalkalibacterium halodurans		Knez, Ana Marija	
Različite uloge dviju izoleucil-tRNA-sintetaza iz bakterije Bacillus megaterium u staničnom odgovoru na stres		Zanki, Vladimir	
AlphaFold - novi alat u predviđanju proteinskih struktura		Habajec, Antun	
Priprema, biokemijska i biofizička karakterizacija dviju prolinskih mutiranih varijanti ljudske dipeptidil-peptidaze III		Miočić-Stošić, Fran	
Triptaminske molekule u dizajnu kristalnih struktura		Mikša, Monika	
Utjecaj polielektrolita na korozijske kinetičke parametre		Lovrić, Marija Jelena	
Karakterizacija inkluzijskih kompleksa nabumetona i β -ciklodekstrina spektroskopijom NMR		Kelrajter, Melita	
Simulacije molekulske dinamike proteina MntR iz bakterije Mycobacterium tuberculosis		Brajković, Mislav	
Mehanizmi ostvarivanja supstratne specifičnosti u sintetskom i korektivnom mjestu izoleucil-tRNA-sintetaze		Živković, Igor	
Triptaminske soli sa halogeniranim karboksilnim kiselinama ; Novi i stari osnovnoškolski nastavni program kemije.		Grabovac, Matea	
Uloga dipeptidil-peptidaze III u oksidacijskom stresu		Matić, Sara	
Kvantitativni odnos strukturnih odlika i aktivnosti molekula		Šelko, Ivanka	
Elektrostatske interakcije pri stabilizaciji proteinskih struktura		Josić, Eva	
Termodinamika molekuskog prepoznavanja		Jurković, Mia	
Validacija i primjena modela koji povezuju aktivnost i strukturna svojstva molekula		Čivić, Janko	
Određivanje količine proteina Cas3 u ovisnosti o jačini promotora, temperaturi i šaperonu HtpG u bakteriji Escherichia coli		Barbarić, Lea	
Molekulsko uklapanje potencijalnih inhibitora na protein ABCG2		Radman, Katarina	
Razvoj i primjena modela za procjenu ekotoksikoloških rizika bioaktivnih kemijskih spojeva		Lovrić, Mario	
Machine learning assisted determination of linearly independent set of generalized molecular coordinates		Ostojić, Tea	
Računalno istraživanje mehanizma ireverzibilne inhibicije enzima monoamin-oksidadze B		Tandarić, Tana	
Biokemijska karakterizacija adenilosukcinat-sintetaze bakterije Helicobacter pylori eksperimentalnim i računalnim metodama		Bubić, Ante	

Uloga mitohondrijskih proteina raspredanja u mehanizmu prijenosa protona kroz unutrašnju mitohondrijsku membranu	Škulj, Sanja	
Halogenirani binuklearni karboksilati bakra(II) ; Novi i stari srednjoškolski nastavni program kemije	Kovač, Patricija	
Utjecaj afinitetnog privjeska na svojstva adenilosukcinat-sintetaze iz bakterije Helicobacter pylori	Petek, Ana	
Biofizička svojstva proteina regulatora citokineze 1, PRC1, u fazama mitoze ljudskih stanica	Manenica, Martina	
Konformacijska pretraga strukturnih derivata azitromicina i njihovo molekularno uklapanje u peptidil-transferazni centar velike podjedinice ribosoma bakterije Escherichia coli	Škevin, Sonja	
Mehanizmi interakcija ljudskog albumina i kaprilne kiseline in silico	Srezović Bijelić, Bruno	
Računalno istraživanje utjecaja tautomerije na vezanje formicina A u aktivno mjesto purinske nukleozid fosforilaze iz bakterije Helicobacter pylori ; Vizualizacija u nastavi kemije	Miladinović, Tin	
Izolacija i strukturna karakterizacija komponenata reakcijske smjese 9a-(2-feniletil) makrozona primjenom sustava LC-SPE/NMR	Benčić, Noelle	
Sinteza i karakterizacija nanočestica različitih morfologija	Gotić, Karla	
Eksperimentalno i računalno istraživanje novih konjugata gvanidina s različitim fluoroforima kao liganada humane dipeptidil-peptidaze III	Čehić, Mirsada	
Proučavanje intramolekulskih vodikovih veza u protonskim spužvama kvantno-kemijskim metodama	Horvaćanin, Izabela	
Utjecaj hladnog stresa i bakterijskih infekcija na ekspresiju satelitskih DNA u kukcima Tribolium castaneum i Drosophila melanogaster	Pulitika, Anamarija	
Termodinamika kompleksiranja kationa zemnoalkalijskih metala s fluorescentnim fenantridinskim derivatom kaliks[4]arena	Usenik, Andrea	
Ispitivanje utjecaja matrice željeza na emisijske linije Cd, Cr, Ni i Pb u argonovoj plazmi	Lešić, Filip	
Međumolekulske interakcije proteinskih sustava	Ratkajec, Anastazija	
Termodinamičko i strukturno istraživanje kompleksiranja homociklopeptida s halogenidnim i oksoanionima u acetonitrilu	Rinkovec, Tamara	
Termodinamičko i strukturno istraživanje kompleksiranja homociklopeptida s halogenidnim i oksoanionima u acetonitrilu i dimetilsulfoksidu	Tarana, Siniša	
Nanostrukturna karakterizacija stanica morskih dijatomeja izloženih kadmiju	Čačković, Andrea	
Ekspanzijska mikroskopija u proučavanju arhitekture diobenog vretena	Ponjavić, Ivana	

Praćenje populacije sive vrane, <i>Corvus corone cornix</i> Linnaeus, 1758, na području Zagreba od 2004. do 2017. godine		Grundler, Dora	
Mikroskopija proteinskih interakcija		Manenica, Martina	
Priprava etravirina, 3-fenilpiridina i 7-etilriptofola protočnim sustavima		Krajinović, Franjo	
Prekomjerna ekspresija i biokemijska karakterizacija proteina dipeptidil-peptidaze III iz termofilne bakterije <i>Caldithrix abyssi</i>		Sučec, Iva	
Računalno istraživanje vezanja strukturnih derivata azitromicina u peptidil-transferazni centar velike podjedinice ribosoma bakterije <i>Escherichia coli</i>		Čorak, Nina	
Pročišćavanje i svojstva virusa zaušnjaka i ospica		Sviben, Dora	
Molekulsko modeliranje bakterijskih dipeptidil-peptidaza III		Tomin, Marko	
Konformacijska analiza makrocikličkih molekula metodama spektroskopije NMR i molekuskog modeliranja		Marjanović, Nera	
Računalno istraživanje purinske nukleozidne fosforilaze iz bakterije <i>Helicobacter pylori</i>		Vuković, Vedran	
Međunarodna prirodoslovna olimpijada mladih 2017. g.		Bertoša, Branimir; Lucić, Andreja; Zadro, Krešo	
Mapping of suface-exposed cysteines in ATPase ISWI		Vizjak, Petra	
Acetilacetatni kompleksi bakra(II) s odabranim oksimskim ligandima ; Kemijski set-odabrani pokusi		Čališ, Ivica Petar	
Dinamički aspekti alosteričkih promjena		Mišura, Ozana	
Optogenetička metoda za brzo i reverzibilno uklanjanje proteina iz diobenog vretena		Milas, Ana	
Međunarodna prirodoslovna olimpijada mladih (IJSO) – 2016.		Lucić, Andrea; Bertoša, Branimir; Torić, Filip	
Mehanizam diskriminacije prirodnih proteinogenih i neproteinogenih neprirodnih aminokiselina kod aminoacil-tRNA-sintetaza razreda 1A		Biluš, Mirna	
Računalne simulacije smatanja proteina		Zagorec, Viktor	
Mehanizam diskriminacije leucina u mjestu za popravak pogreške leucil-tRNA-sintetaze		Živković, Igor	
Istraživanje mehanokemijske sinteze kokristala in situ Ramanovom spektroskopijom		Lukin, Stipe	
Istraživanje interakcija enzima FNR i ITP domene proteina TROL simulacijama molekularne dinamike		Kekić, Tadija	
Modeliranje strukture i reaktivnosti organskih molekula novom klaster-kontinuum metodom solvatacije		Rončević, Igor	

Računalne simulacije kompleksa derivata ibuprofena i naproksena s acil-CoA tioesterazom I (TesA) iz bakterije <i>Pseudomonas aeruginosa</i>		Ilić, Krunoslav	
Računalne simulacije interakcija dviju domena autotransporterske esteraze EstA iz bakterije <i>Pseudomonas aeruginosa</i>		Mrnjavac, Natalia	
Mehanizmi popravka pogreške leucil-tRNA-sintetaze sprječavaju nekanonsku mistranslaciju proteoma bakterije <i>Escherichia coli</i>		Cvetešić, Nevena	
Analiza ekspresije genske regulacije tijekom ranog razvoja miša		Kozić, Zrinko	
Istraživanje supstratne specifičnosti acil-CoA tioesteraze I iz bakterije <i>Pseudomonas aeruginosa</i> korištenjem simulacije molekularne dinamike		Petrović, Saša	
Modeliranje stabilnosti heksamernog i dimernog oblika purinske nukleozidne fosforilaze iz bakterije <i>Escherichia coli</i>		Hajnić, Matea	